

## Informe de notificación inmediata

Referencia del informe: REF OIE 27576, Fecha del informe: 16/08/2018, País : Rusia

### Resumen del informe

<b>Nombre de quien envía el informe</b>	Dr Nikolay Vlasov	<b>Teléfono</b>	+7 (499) 975 58 35
<b>Posición</b>	Deputy Head of the Rosselkhoz nadzor	<b>Fax</b>	+7 (495) 975 58 35
<b>Dirección</b>	Orlikov Per., 1/11	<b>Correo electrónico</b>	nvlasov@mail.ru
	107139, Moscow, Russian Federation, Rosselkhoz nadzor Moscow	<b>Fecha de envío del informe a la OIE</b>	16/08/2018

<b>Tipo de animal</b>	Terrestres	<b>Fecha del informe</b>	16/08/2018
<b>Enfermedad</b>	Influenza aviar altamente patógena	<b>Fecha del inicio del evento</b>	09/08/2018
<b>Agente etiológico</b>	Virus de la influenza aviar altamente patógena	<b>Fecha de confirmación del evento</b>	11/08/2018
<b>Serotipo(s)</b>	H5N2	<b>Fecha de la última aparición</b>	13/03/2018
<b>Motivo</b>	Recurrencia de una enfermedad de la Lista de la OIE	<b>Diagnóstico</b>	Clínico, Pruebas de diagnóstico de laboratorio avanzadas (ej. virología, microscopía electrónica, biología molecular e inmunología)
<b>País o zona</b>	Una zona o compartimento	<b>Signos clínicos</b>	Sí
<b>Número de focos notificados</b>	enviado= 1, Borrador= 0		

### Detalles de los focos

Province	Número de focos	District	Sub-district	Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
Kostromskaya Oblast- (este informe - enviado)	-	Kostromskoy		Explotación	Harino	58.951231	46.514801	09/08/2018	
Especies	Unidades de medida	Susceptibles	Casos	Muertos	Matados y eliminados	Sacrificados			
Aves	Animales	498485	506	506	1223	...			
Población afectada									

### Resumen de focos: Número total de focos = 1 (Enviado)

Especies	Susceptibles	Casos	Muertos	Matados y eliminados	Sacrificados
Aves	498485	506	506	1223	

### Epidemiología

#### Otros detalles epidemiológicos / comentarios

El aislado del virus fue identificado como un subtipo H5N2 mediante PCR y secuenciación del nucleótido. El análisis comparativo de las secuencias de nucleótidos de los fragmentos de genes H y N obtenidas revelaron que el aislado hacia parte del linaje genético asiático de la influenza aviar altamente patógena (clado 2.3.4.4) que se propagó a través de la Federación de Rusia así como en países de Asia, Europa, Medio-Oriente y África entre 2016 y 2018. El sitio de clivaje de la hemaglutinina posee una estructura -REKRRKRGLF-, sinónimo de potencial alta virulencia del virus.

#### Fuente del o de los focos u origen de la infección

• Desconocida o no concluyente

### Medidas implementadas

Implementada	Para ser implementada
<ul style="list-style-type: none"> <li>• restricción de los movimientos en el interior del país</li> <li>• vigilancia dentro de la zona de contención o zona de protección</li> <li>• tamizaje</li> <li>• cuarentena</li> <li>• eliminación oficial de canales, subproductos y desechos de origen animal</li> <li>• sacrificio sanitario</li> <li>• control de fauna silvestre reservorio de agentes patógenos</li> <li>• desinfección</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• ninguna medida de control programada</li> </ul>
<b>Animales tratados</b>	<b>Vacunación prohibida</b>
No	Sí

### Resultados de las pruebas diagnósticas

Tipo de laboratorio	Nombre del laboratorio	Especies	Tipo de prueba	Fecha de entrega de los resultados	Resultados

Tipo de laboratorio	Nombre del laboratorio	Especies	Tipo de prueba	Fecha de entrega de los resultados	Resultados
Laboratorio de referencia de la OIE	Instituto federal de investigación para la sanidad animal (FGBI-ARRIAH)	Aves	RT-PCR (técnica de la reacción en cadena de la polimerasa con transcriptasa reversa)	11/08/2018	Positivo

#### Informes futuros

El episodio continúa. Informes de seguimiento semanales serán enviados

## Mapa de focos

